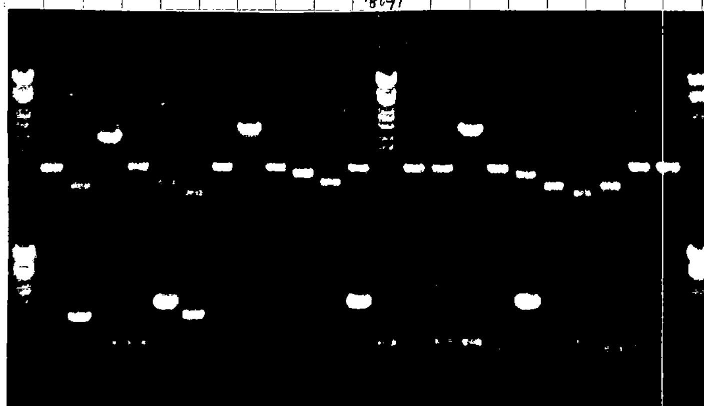
EXHIBIT C

題名 h8817 大 インサート PCR　　　　ページNo. 59

59 ページから続く　　　　2001 年 6 月 25 日

6/25
・インサートPCR
vol. 20 μl,　SP6 / T7　2μM 1 μl each,　LA Taq
大-5 → 24 ケ
大-10 → 24 ケ　) pick-up　　35 cycles
↓ 0.8%
4 μl → Ep

10×LA-Buf	2 μl	102
dNTPs	1.6	81.6
2μM T7	1	51
2μM SP6	1	51
dH2O	14.3	729.3
LA Taq	0.1	5.1
	20 μl	



大5
大10

TE 200 μl	~3kb	5 clone	大5 #8 #15	大10 #5, #12, #18
	~2kb	3 clone	#3	#2 #6
TE 100 μl	~0.9kb	3 clone	#9 #12 #16	
	< 0.9kb	5 clone	#10 #11 #17 #18 #20	

SP6 / T7 両方から読む

h8817/pGEM-T Easy　　Primer SP6　dk19　Primer T7　Read

0625 dk #1	大5	#3				poly A	○	
2		#8	(polyT)			○	○	
3		#9	(polyT)	21	✓	○	●	○
4		#10	poly A	22	✓	○	●	○
5		#11		23	✓	○	○	
6		#12	poly T	24	✓	○	○	
7		#15	poly T	25	✓	○	○	
8		#16	〃	26	✓	○	●	○
9		#17	poly A		✓	○	●	○
10		#18				○		○
11		#20				○		○
12	大10	#2		30	✓	○○	○	
13		#5		31	✓	○	○	○
14		#6		32	✓	○○	●	○
15		#12		33	✓	○	○	○
16		#18		34	✓	○	○	○
17	v-tpo/pcS2+FLAG	1/5 dil	1 μl					
18		〃	2 μl	dk36				

template 3.3
3.3 ２

F501 Fend

Seq. PCR　×20

Pre-Mix	3 μl	60
2μM Primer	0.8 μl	16
DNA	1 μl	
dH2O	5.2 μl	104
	10 μl	

・5-8 (2.5kb) dk2, 20　m8817 (1067-1069) が欠失 E143

5-12	(0.9kb)	dk 24	同一
5-15	(2.5)	25	m8817ともフレーム一致同じ
10-2	(1.9)	30	
10-5	(2.5)	31	
10-6	(1.9)	32	
10-12	(2.5)	33	
10-18	(2.5)	34	

60 ページに続く

M.K 2001 年 6 月 25 日　　記録者署名
(印) 01 年 7 月 9 日　　確認者署名
2001.7.10 Y. Koizuka

題名 同R [illegible]　　　　ページNo. 60

59 ページから続く　　　　2001年 6月26日

6/26

	#		DNA	Primer
0627 lk 1	h8817③-3	↑	0.5 μl	Frend h8817
2		↓	1 μl	↓
3	6/25 太5-#8	↑	1 μl	
4	太10-#5			
5	太10-#18			↓
6	太5-#8			F530
7	太10-#5			
8	太10-#18	↓		↓

Seq PCR 1/1

		×6	×4
Premix	3 μl	18	12
DNA	1 μl	,	-
2 μM Primer	0.8 μl	4.8	3.2
dH2O	5.2 μl	31.2	20.8
	10 μl		

0625 のつづき

同～ (5-10 (<0.9kb) lk22 ; 5-17 (〃) lk27)　開始 ATGから ～500bp. ここ以下 poly A.

難区 (5-9 (0.9) lk21 ; 5-11 (<<0.9) lk23 ; 5-16 (0.9) lk26)　lk20と同じ 5'側 欠失あり　開始Met～350bpまで、以下 異なる配列。 〃 から100～120bpに インサーションあり。 ～20bp?

同F (5-18 (<<0.9) lk28 ; 5-20 (〃) lk29)　開始Metから <900bpまで 以下 異なる seq

0627の結果　　ORF 753

h8817c10-5

```
IS   Translation Editor   [h8817c10-5(22-1371).ab1.Seq]     2001.7.6
 22 ATGCAGTTTCGCCTTTTCTCCTTTGCCCTCATCATTCTGAACTGCATGGATTACAGCCAC   81
  1  M  Q  F  R  L  F  S  F  A  L  I  I  L  N  C  M  D  Y  S  H   20

 82 TGCCAAGGCAACCGATGGAGACGCAGTAAGCGAGCTAGTTATGTATCAAATCCCATTTGC  141
 21  C  Q  G  N  R  W  R  R  S  K  R  A  S  Y  V  S  N  P  I  C   40

142 AAGGGTTGTTTGTCTTGTTCAAAGGACAATGGGTGTAGCCGATGTCAACAGAAGTTGTTC  201
 41  K  G  C  L  S  C  S  K  D  N  G  C  S  R  C  Q  Q  K  L  F   60

202 TTCTTCCTTCGAAGAGAAGGGATGCGCCAGTATGGAGAGTGCCTGCATTCCTGCCCATCC  261
 61  F  F  L  R  R  E  G  M  R  Q  Y  G  E  C  L  H  S  C  P  S   80

262 GGGTACTATGGACACCGAGCCCCAGATATGAACAGATGTGCAAGATGCAGAATAGAAAAC  321
 81  G  Y  Y  G  H  R  A  P  D  M  N  R  C  A  R  C  R  I  E  N  100

322 TGTGATTCTTGCTTTAGCAAAGACTTTTGTACCAAGTGCAAAGTAGGCTTTTATTTGCAT  381
101  C  D  S  C  F  S  K  D  F  C  T  K  C  K  V  G  F  Y  L  H  120

382 AGAGGCCGTTGCTTTGATGAATGTCCAGATGGTTTTGCACCATTAGAAGAAACCATGGAA  441
121  R  G  R  C  F  D  E  C  P  D  G  F  A  P  L  E  E  T  M  E  140

442 TGTGTGGAAGGATGTGAAGTTGGTCATTGGAGCGAATGGGGAACTTGTAGCAGAAATAAT  501
141  C  V  E  G  C  E  V  G  H  W  S  E  W  G  T  C  S  R  N  N  160

502 CGCACATGTGGATTTAAATGGGGTCTGGAAACCAGAACACGGCAAATTGTTAAAAAGCCA  561
161  R  T  C  G  F  K  W  G  L  E  T  R  T  R  Q  I  V  K  K  P  180

562 GTGAAAGACACAATACTGTGTCCAACCATTGCTGAATCCAGGAGATGCAAGATGACAATG  621
181  V  K  D  T  I  L  C  P  T  I  A  E  S  R  R  C  K  M  T  M  200

622 AGGCATTGTCCAGGAGGGAAGAGAACACCAAAGGCGAAGGAGAAGAGGAACAAGAAAAAG  681
201  R  H  C  P  G  G  K  R  T  P  K  A  K  E  K  R  N  K  K  K  220

682 AAAAGGAAGCTGATAGAAAGGGCCCAGGAGCAACACAGCGTCTTCCTAGCTACAGACAGA  741
221  K  R  K  L  I  E  R  A  Q  E  Q  H  S  V  F  L  A  T  D  R  240

742 GCTAACCAATAA                                                   753
241  A  N  Q  *                                                    244
```

7/9 ㊞ 7/6 ML

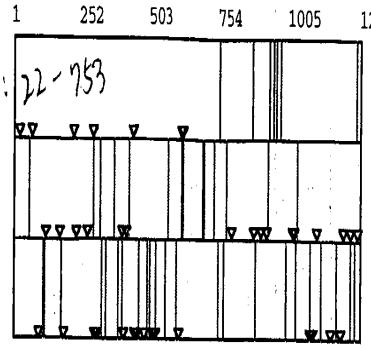
61 ページに続く

記録者署名 M.K　2001年 7月 6日　　確認者署名 ㊞　01年 7月 9日

DNASIS
h8817c10-5(22-1371).ab1.Seq

```
        10         20         30         40         50         60
GATTCCGCTC GAGCCGCCCA GTGCAGTTT CGCCTTTTCT CCTTTGCCCT CATCATTCTG

        70         80         90        100        110        120
AACTGCATGG ATTACAGCCA CTGCCAAGGC AACCGATGGA GACGCAGTAA GCGAGCTAGT

       130        140        150        160        170        180
TATGTATCAA ATCCCATTTG CAAGGGTTGT TTGTCTTGTT CAAAGGACAA TGGGTGTAGC

       190        200        210        220        230        240
CGATGTCAAC AGAAGTTGTT CTTCTTCCTT CGAAGAGAAG GGATGCGCCA GTATGGAGAG

       250        260        270        280        290        300
TGCCTGCATT CCTGCCCATC CGGGTACTAT GGACACCGAG CCCCAGATAT GAACAGATGT

       310        320        330        340        350        360
GCAAGATGCA GAATAGAAAA CTGTGATTCT TGCTTTAGCA AAGACTTTTG TACCAAGTGC

       370        380        390        400        410        420
AAAGTAGGCT TTTATTTGCA TAGAGGCCGT TGCTTTGATG AATGTCCAGA TGGTTTTGCA

       430        440        450        460        470        480
CCATTAGAAG AAACCATGGA ATGTGTGGAA GGATGTGAAG TTGGTCATTG GAGCGAATGG

       490        500        510        520        530        540
GGAACTTGTA GCAGAAATAA TCGCACATGT GGATTTAAAT GGGGTCTGGA AACCAGAACA

       550        560        570        580        590        600
CGGCAAATTG TTAAAAAGCC AGTGAAAGAC ACAATACTGT GTCCAACCAT TGCTGAATCC

       610        620        630        640        650        660
AGGAGATGCA AGATGACAAT GAGGCATTGT CCAGGAGGGA AGAGAACACC AAAGGCGAAG

       670        680        690        700        710        720
GAGAAGAGGA ACAAGAAAAA GAAAAGGAAG CTGATAGAAA GGGCCCAGGA GCAACACAGC

       730        740        750        760        770        780
GTCTTCCTAG CTACAGACAG AGCTAACCAA TAAAACAAGA GATCCGGTAG ATTTTTAGGG

       790        800        810        820        830        840
GTTTTTGTTT TTGCAAATGT GCACAAAGCT ACTCTCCACT CCTGCACACT GGTGTGCAGC

       850        860        870        880        890        900
CTTTGTGCTG CTCTGCCCAG TATCTGTTCC CAGTAACATG GTGAAAGGAA GCACCACCAG

       910        920        930        940        950        960
CATGGCCCCT GTGTTATTTA TGCTTTGATT TGAATCTGGA GACTGTGAAG GCAGGAGTAA

       970        980        990       1000       1010       1020
GTGCACAGCC CGTGACTTGG CTCAGTGTGT GCTGAGAGAA TCCGTCCCCG GCACCATGGA

      1030       1040       1050       1060       1070       1080
CATGCTAGAG GTGTGAGGCT GCAGAACACC GCTGGAGGAC GGACTTGTGC CTATTTATGT

      1090       1100       1110       1120       1130       1140
GAAAGAAGAT GCTTGGCAGG CAATGCGCTA CTCACTCGTG ACCTTTATTT CTCACATTGT

      1150       1160       1170       1180       1190       1200
GCATTTTCAA GGATATGTTT GTGTGGATAT CTGCTTAGTG tTACCACATG GTATTCTCAG

      1210       1220       1230       1240       1250       1260
GTGTTACCT TCACACTGTT GTGCGATGAA ACTGCTTTTA GCTGAgGATA TGCTCTGG..
```

File : h8817c10-5(22-1371).ab1.Seq
Mode : Normal Range : 1 - 1258
Init : ATG
Term : TAA TAG TGA



DNASIS
Homology Region [h8817c10-5(22-1371).ab[Frame 1]]

No.	Target file	Definition	Match%	Over.	INIT
1	m#8817(642-1		95.9	243	1357

```
                10        20        30        40        50        60
h8817c10-5(2  MQFRLFSFALIILNCMDYSHCQGNRWRRSKRASYVSNPICKGCLSCSKDNGCSRCQQKLF
              :.: X:::::::::::::::.:::::::.:::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  MRFCLFSFALIILNCMDYSQCQGNRWRRNKRASYVSNPICKGCLSCSKDNGCSRCQQKLF
                        10        20        30        40        50        60
                        70        80        90       100       110       120
h8817c10-5(2  FFLRREGMRQYGECLHSCPSGYYGHRAPDMNRCARCRIENCDSCFSKDFCTKCKVGFYLH
              ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  FFLRREGMRQYGECLHSCPSGYYGHRAPDMNRCARCRIENCDSCFSKDFCTKCKVGFYLH
                        70        80        90       100       110       120
                       130       140       150       160       170       180
h8817c10-5(2  RGRCFDECPDGFAPLEETMECVEGCEVGHWSEWGTCSRNNRTCGFKWGLETRTRQIVKKP
              ::::::::::::::.:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  RGRCFDECPDGFAPLDETMECVEGCEVGHWSEWGTCSRNNRTCGFKWGLETRTRQIVKKP
                       130       140       150       160       170       180
                       190       200       210       220       230       240
h8817c10-5(2  VKDTILCPTIAESRRCKMTMRHCPGGKRTPKAKEKRNKKKKRKLIERAQEQHSVFLATDR
              .:::: ::::::::::::.:::::::::::::::::::.:::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  AKDTIPCPTIAESRRCKMAMRHCPGGKRTPKAKEKRNKKKRRKLIERAQEQHSVFLATDR
                       190       200       210       220       230       240

h8817c10-5(2  ANQ
              .:X
m#8817(642-1  VNQ
```

題名 h8817　　6 ページから続く

```
No. Target file  Definition                          Match% Over. INIT
  4 m#8817(642-1                                       76.9  1291  188  3
                        10        20        30        40        50        60
h8817c10-5(2  GATTCCGCTCGAGCCGCCCAGATGCAGTTTCGCCTTTTCTCCTTTGCCCTCATCATTCTG
                  : :: ::: ::: ::::::::  ::: :::: ::::: ::::::::::::::::::
m#8817(642-1  TCCCCAGCCCGA-CCGTCCAGATGCGTTTTTGCCTCTTCTCATTTGCCCTCATCATTCTG
                       630       640       650       660       670       680
                        70        80        90       100       110       120
h8817c10-5(2  AACTGCATGGATTACAGCCACTGCCAAGGCAACCGATGGAGACGCAGTAAGCGAGCTAGT
              ::::: :::::::::::::: ::::::::::::::::::::::::: :::::::::::::
m#8817(642-1  AACTGTATGGATTACAGCCAGTGCCAAGGCAACCGATGGAGACGCAATAAGCGAGCTAGT
                       690       700       710       720       730       740
                       130       140       150       160       170       180
h8817c10-5(2  TATGTATCAAATCCCATTTGCAAGGGTTGTTTGTCTTGTTCAAAGGACAATGGGTGTAGC
              ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: ::::::::::: :: :::
m#8817(642-1  TATGTATCAAATCCCATTTGCAAGGGTTGTTTGTCTTGTTCGAAGGACAATGGTTGCAGC
                       750       760       770       780       790       800
                       190       200       210       220       230       240
h8817c10-5(2  CGATGTCAACAGAAGTTGTTCTTCTTCCTTCGAAGAGAAGGGATGCGCCAGTATGGAGAG
              ::::::::::::::::::::::: ::::::::::::::::: ::::: ::::::::::::
m#8817(642-1  CGATGTCAACAGAAGTTGTTCTTTTTCCTTCGAAGAGAAGGAATGCGTCAGTATGGAGAG
                       810       820       830       840       850       860
                       250       260       270       280       290       300
h8817c10-5(2  TGCCTGCATTCCTGCCCATCCGGGTACTATGGACACCGAGCCCCAGATATGAACAGATGT
              :::::::::::::::::::: ::::: :::::::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  TGCCTGCATTCCTGCCCATCAGGGTATTATGGACACCGAGCCCCAGATATGAACAGATGT
                       870       880       890       900       910       920
                       310       320       330       340       350       360
h8817c10-5(2  GCAAGATGCAGAATAGAAAACTGTGATTCTTGCTTTAGCAAAGACTTTTGTACCAAGTGC
              ::: ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: ::::::
m#8817(642-1  GCACGATGCAGAATAGAAAACTGTGATTCTTGCTTTAGCAAAGACTTTTGTACGAAGTGC
                       930       940       950       960       970       980
                       370       380       390       400       410       420
h8817c10-5(2  AAAGTAGGCTTTTATTTGCATAGAGGCCGTTGCTTTGATGAATGTCCAGATGGTTTTGCA
              ::::::::::::::::::::::::::::: ::::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  AAAGTAGGCTTTTATTTGCATAGAGGCCGCTGCTTTGATGAATGTCCAGATGGTTTTGCA
                       990      1000      1010      1020      1030      1040
                       430       440       450       460       470       480
h8817c10-5(2  CCATTAGAAGAAACCATGGAATGTGTGGAAGGATGTGAAGTTGGTCATTGGAGCGAATGG
              :: ::::: :: :: ::::::::::: ::::: :::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  CCGTTAGATGAGACTATGGAATGTGTAGAAGGTTGTGAAGTTGGTCATTGGAGCGAATGG
                      1050      1060      1070      1080      1090      1100
                       490       500       510       520       530       540
h8817c10-5(2  GGAACTTGTAGCAGAAATAATCGCACATGTGGATTTAAATGGGGTCTGGAAACCAGAACA
              ::::: ::::::::::: :: ::::: :::::::::::::::::::::::::::::::::
m#8817(642-1  GGAACGTGTAGCAGAAACAACCGCACGTGTGGATTTAAATGGGGTCTGGAAACCAGAACA
                      1110      1120      1130      1140      1150      1160
                       550       560       570       580       590       600
h8817c10-5(2  CGGCAAATTGTTAAAAAGCCAGTGAAAGACACAATACTGTGTCCAACCATTGCTGAATCC
              ::::: ::::::::::::::::  :::::::::::::  ::::: :::::::: :: :::
m#8817(642-1  CGGCAGATTGTTAAAAAGCCAGCAAAAGACACAATACCATGTCCGACCATTGCGGAGTCC
                      1170      1180      1190      1200      1210      1220
                       610       620       630       640       650       660
h8817c10-5(2  AGGAGATGCAAGATGACAATGAGGCATTGTCCAGGAGGGAAGAGAACACCAAAGGCGAAG
              ::::::::::::::: : :::::::: ::::::::::: ::::::::::::::::: :: 
m#8817(642-1  AGGAGATGCAAGATGGCCATGAGGCACTGTCCAGGAGGAAAGAGAACACCAAAGGCAAAA
                      1230      1240      1250      1260      1270      1280
                       670       680       690       700       710       720
h8817c10-5(2  GAGAAGAGGAACAAGAAAAAGAAAAGGAAGCTGATAGAAAGGGCCCAGGAGCAACACAGC
              :::::::: :::::::: ::::   :::::::::: :: :: ::::: ::::: ::::::
m#8817(642-1  GAGAAGAGAAACAAGAAGAAGAGGCGGAAGCTGATTGAGAGAGCCCAAGAGCAGCACAGC
                      1290      1300      1310      1320      1330      1340
                       730       740       750        760        770
h8817c10-5(2  GTCTTCCTAGCTACAGACAGAGCTAACCAATAAAA--CAAGAGAT--CCGGTAGATTTTT
              :::::::: :::::::::::::  :::::::::::  ::::: ::  : ::   ::::: 
m#8817(642-1  GTCTTCCTCGCTACAGACAGAGTGAACCAATAAAATACAAGAAATAGCTGGGGCATTTTG
                      1350      1360      1370      1380      1390      1400
                          780       790           800       810       820
h8817c10-5(2  AGG----------GGTTTTTGTTTTTG-----CAAATGTGCACAAAGCTACTCTCCACTC
              :::          :::: :::: :::      :::: :::::::::::::::::::: ::
m#8817(642-1  AGGTTTTCTGTTTTGTTTATGTTGTTTTGCAAAAGTGCACAAAGCTACTCTCCAGTC
                      1410      1420      1430      1440      1450      1460
                       830       840       850       860       870       880
h8817c10-5(2  CTGCACACTGGTGTGCAGCCTTTGTGCTGCTCTGCCCAGTATCTGTTCCCAGTAACATGG
              :   :::::::::  :::: ::  :: : ::::: ::::::::  ::  ::::::  :: 
m#8817(642-1  C---ACACTGGTGGACAGCATTCCTGATCCTCTGACCAGTATCCATTTTCAGTAA--TGC
                         1470      1480      1490      1500      1510
                       890       900       910       920       930       940
h8817c10-5(2  TG-AAAGGAAGCACCACCAGCATGGCCCCTGTGTTATTTATGCTTTGATTTGAATCTGGA
              :: : ::: ::   : : X:::::: : : : :::::::::::::::::: :::::::: 
m#8817(642-1  TGCAGAGGGAGGTGCCCAAGCATGGACTCAGCGTTATTTATGCTTTGATTGGAATCTGGG
                    1520      1530      1540      1550      1560      1570
                       950            960       970       980
h8817c10-5(2  GACTGTGAAGGCAGGAG---TAAGTGCACAG--CCCGTGACTTGGCTCA-------GTGT
              : :::::: :::::::X      : ::  ::    :: ::  ::   ::          :
m#8817(642-1  GCCTGTGATGGCAGGAGCTTGTTGAGCTGAGTCAGCGGGAGCTGATGCATCTGTACTCTT
                    1580      1590      1600      1610      1620      1630
                    990      1000      1010      1020      1030      1040
h8817c10-5(2  GTGCTGAG-AGAATCCGTCCCCGGCACCATGGACATGCTAGAGGTGTGAGGCTGCA-GAA
              ::: :::: : : :   :::    : ::: ::  : ::  :  :  :     : : : : :
m#8817(642-1  GTGATGAGCACAGTGTGTCATAAGAACC-TGTCCCTGGCACGGTGGACCCACAGGAGGCA
                    1640      1650      1660      1670      1680      1690
                   1050      1060      1070      1080      1090      1100
h8817c10-5(2  CACCGCTGGAGGACGGACTTGTGCCTATTTATGTGAAAGAAGATGCTTGGCAGGCAATGC
              ::  :::: : : :  ::    :   ::  :  ::     :  :   :::  ::::::  
m#8817(642-1  CAAGGCTGTA-GATCACCACCAGAGAATGCACCTGTGCCTATTTTGATGGATGGCAAT--
                     1700      1710      1720      1730      1740      1750
                   1110      1120      1130      1140      1150      1160
h8817c10-5(2  GCTACTCACTCGTGACCTTTATTTCTCACATTGTGCATTTTCAAGGATATGTTTGTGTGG
              ::::  ::  :  :  :: : :  ::       : :::::   :   : ::    :::  
m#8817(642-1  GCTAAGCAAGCAAGCACTGT-TCACTTGTGACTTTCATTTCTCACACTGTG-CACTGTCA
                       1760      1770      1780      1790      1800
                   1170      1180      1190      1200      1210      1220
h8817c10-5(2  ATATCTGCTTAGTGTTACCACATG-GTATTCTCAGCATGTTACCTTCACA-CTGTTGTG-
              :   :   :  :  :    : :::  :: : ::: : :   : ::: :: :    ::: 
m#8817(642-1  AAGACAAATGTGCATGGAAAAATGTTTAGTGTCACCTCATGGCGTTCTCAGCATCAGTGA
                 1810      1820      1830      1840      1850      1860
                        1230      1240      1250
h8817c10-5(2  CGATGAAACTGCTTTTAGCTGAGGATATGCTCTGG
              :  : :::: :   :    ::::  : :: ::: :
m#8817(642-1  CCTTCAAACGGTCCTACAATGAGACTGTGTTCTAG
                 1870      1880      1890      1900
```

記録者署名　　2001年9月6日

確認者署名　　2001年9月9日

ページに続く

ページNo. 6　　2001年9月6日

ORFでのDNA相同性 (印) 01.7.9 7/6 mk

```
Homology Region [h8817ORF(22-753)]

No. Target file  Definition                               Match% Over. INIT
 1 m8817ORF                                                 92.3   732  2592  2

                       10        20        30        40        50        60
h8817ORF(22-  ATGCAGTTTCGCCTTTTCTCCTTTGCCCTCATCATTCTGAACTGCATGGATTACAGCCAC
m8817ORF      ATGCGTTTTTGCCTCTTCTCATTTGCCCTCATCATTCTGAACTGTATGGATTACAGCCAG
                       10        20        30        40        50        60
                       70        80        90       100       110       120
h8817ORF(22-  TGCCAAGGCAACCGATGGAGACGCAGTAAGCGAGCTAGTTATGTATCAAATCCCATTTGC
m8817ORF      TGCCAAGGCAACCGATGGAGACGCAATAAGCGAGCTAGTTATGTATCAAATCCCATTTGC
                       70        80        90       100       110       120
                      130       140       150       160       170       180
h8817ORF(22-  AAGGGTTGTTTGTCTTGTTCAAAGGACAATGGGTGTAGCCGATGTCAACAGAAGTTGTTC
m8817ORF      AAGGGTTGTTTGTCTTGTTCGAAGGACAATGGTTGCAGCCGATGTCAACAGAAGTTGTTC
                      130       140       150       160       170       180
                      190       200       210       220       230       240
h8817ORF(22-  TTCTTCCTTCGAAGAGAAGGGATGCGCCAGTATGGAGAGTGCCTGCATTCCTGCCCATCC
m8817ORF      TTTTTCCTTCGAAGAGAAGGAATGCGTCAGTATGGAGAGTGCCTGCATTCCTGCCCATCA
                      190       200       210       220       230       240
                      250       260       270       280       290       300
h8817ORF(22-  GGGTACTATGGACACCGAGCCCCAGATATGAACAGATGTGCAAGATGCAGAATAGAAAAC
m8817ORF      GGGTATTATGGACACCGAGCCCCAGATATGAACAGATGTGCACGATGCAGAATAGAAAAC
                      250       260       270       280       290       300
                      310       320       330       340       350       360
h8817ORF(22-  TGTGATTCTTGCTTTAGCAAAGACTTTTGTACCAAGTGCAAAGTAGGCTTTTATTTGCAT
m8817ORF      TGTGATTCTTGCTTTAGCAAAGACTTTTGTACGAAGTGCAAAGTAGGCTTTTATTTGCAT
                      310       320       330       340       350       360
                      370       380       390       400       410       420
h8817ORF(22-  AGAGGCCGTTGCTTTGATGAATGTCCAGATGGTTTTGCACCATTAGAAGAAACCATGGAA
m8817ORF      AGAGGCCGCTGCTTTGATGAATGTCCAGATGGTTTTGCACCGTTAGATGAGACTATGGAA
                      370       380       390       400       410       420
                      430       440       450       460       470       480
h8817ORF(22-  TGTGTGGAAGGATGTGAAGTTGGTCATTGGAGCGAATGGGGAACTTGTAGCAGAAATAAT
m8817ORF      TGTGTAGAAGGTTGTGAAGTTGGTCATTGGAGCGAATGGGGAACGTGTAGCAGAAACAAC
                      430       440       450       460       470       480
                      490       500       510       520       530       540
h8817ORF(22-  CGCACATGTGGATTTAAATGGGGTCTGGAAACCAGAACACGGCAAATTGTTAAAAAGCCA
m8817ORF      CGCACGTGTGGATTTAAATGGGGTCTGGAAACCAGAACACGGCAGATTGTTAAAAAGCCA
                      490       500       510       520       530       540
                      550       560       570       580       590       600
h8817ORF(22-  GTGAAAGACACAATACTGTGTCCAACCATTGCTGAATCCAGGAGATGCAAGATGACAATG
m8817ORF      GCAAAAGACACAATACCATGTCCGACCATTGCGGAGTCCAGGAGATGCAAGATGGCCATG
                      550       560       570       580       590       600
                      610       620       630       640       650       660
h8817ORF(22-  AGGCATTGTCCAGGAGGGAAGAGAACACCAAAGGCGAAGGAGAAGAGGAACAAGAAAAAG
m8817ORF      AGGCACTGTCCAGGAGGAAAGAGAACACCAAAGGCAAAAGAGAAGAGAAACAAGAAGAAG
                      610       620       630       640       650       660
                      670       680       690       700       710       720
h8817ORF(22-  AAAAGGAAGCTGATAGAAAGGGCCCAGGAGCAACACAGCGTCTTCCTAGCTACAGACAGA
m8817ORF      AGGCGGAAGCTGATTGAGAGAGCCCAAGAGCAGCACAGCGTCTTCCTCGCTACAGACAGA
                      670       680       690       700       710       720
                      730
h8817ORF(22-  GCTAACCAATAA
m8817ORF      GTGAACCAATAA
                      730
```

7/6 引き続きSeq 解析

0709. Sq			
clc 1	10-2	↑	
2	10-6	F530	
3	10-12	↓	
4	10-2	↑	
5	10-6	Fend	
6	10-12	↓	
7	10-2	↑	X 読めず
8	10-5		○
9	10-6	F1171	X 〃 ○ 同一
10	10-12		○ ~310 bp まで
11	10-18	↓	○
12			

Seq PCR

		×14
Pre-Mix	3 μl	42
2 μM Primer	0.8 μl	
DNA	1 μl	
dH₂O	5.2 μl	72.8
	10 μl	

32.1
49.2

Stock Plateを引き延ばした。
37°C, O/N

記録者署名 M. K 2001 年 7 月 6 日
確認者署名 (印) 01 年 7 月 9 日